

TAATAGCTCA TGGGAGATAG AGGCCCAGGC ATTTTTTATA TTATCAGATC 3250  
 AGCATCCCAA CATAATTTCA CCACACCTCA CATTCTCAGA AGGATTGGAT 3300  
 GAACTTTTGA AATTGGAGGG AAATTTCCCT GAAGAAAATA ATGATAAAAA 3350  
 GTCTATCTAT TATTTAGGGG TCACCTCAAT CAAAAAGAGA GAGAGTGGTG 3400  
 5 TGCTTTTGAC TGACAAGTCA AGGGTATCGT GCCCATTCCC AGCCCCCTGT 3450  
 TTATTACGG ACATCAGAGT TCTCCAGGAC AGTTGCTCAC ACTTTGTAGA 3500  
 AAATAATATC AACTTAGGAA CTTCTAGTAA GAAGACTTTT GCATCTTACA 3550  
 TGCCTCAATT CCAAACCTTGT TCTACTCAGA CTCATAAGAT CATGGAAAAC 3600  
 AAGATGTGTG ACCTAACTGT GTAATTTTAC TGAAGAAACC TTCAGATTTG 3650  
 10 TGTATAATG GGTAATATAA AGTGTAATAG ATTATAGTTG TGGGTGGGAG 3700  
 AGAGAAAAGA AACCAGAGTC AAATTTGAAA ATAATTGTTC CAAATGAATG 3750  
 TTGTCTGTTT GTTCTCTCTT AGTAACATAG ACAAAAAATT TGAGAAAGCC 3800  
 TTCATAAGCC TACCAATGTA GACACGCTCT TCTATTTTAT TCCCAAGCTC 3850  
 TAGTGGGAAG GTCCCTTGTT TCCAGCTAGA AATAAGCCCA ACAGACACCA 3900  
 15 TCTTTTGTGA GATGTAATTG TTTTTCAGA GGGCGTGTTG TTTTACCTCA 3950  
 AGTTTTTGTG TTGTACCAAC ACACACACAC ACACACATTC TTAACACATG 4000  
 TCCTTGTTG TTTTGAGAGT ATATTATGTA TTTATATTTT GTGCTATCAG 4050  
 ACTGTAGGAT TTGAAGTAGG ACTTTCCTAA ATGTTTAAGA TAAACAGAAT 4100  
 TC 4102

20 (2) INFORMATION FOR SEQ ID NO:2:

(i) SEQUENCE CHARACTERISTICS:

- (A) LENGTH: 1165 amino acids
- (B) TYPE: Amino Acid
- (D) TOPOLOGY: Linear